

**To:** (10)(2e) | (10)(2e) @erasmusmc.nl; (10)(2e) | (10)(2e) @erasmusmc.nl; (10)(2e) | (10)(2e) @rivm.nl; (10)(2e) | (10)(2e) @rivm.nl  
**Cc:** (10)(2e) | (10)(2e) @rivm.nl; (10)(2e) | (10)(2e) @rivm.nl; (10)(2e) | (10)(2e) @rivm.nl  
**From:** (10)(2e)  
**Sent:** Mon 3/9/2020 3:14:13 PM  
**Subject:** persoonsgevoelige gegevens in GISAIID  
**Received:** Mon 3/9/2020 3:14:14 PM

Beste (10)(2e) en collega's

Zoals zojuist telefonisch met (10)(2e) besproken het volgende:

Via de openbare toegang van de website nextstrain.org kunnen de Nederlandse sequency data van COVID-19 geraadpleegd worden, en wordt tevens de waarschijnlijke contact/bron zichtbaar (wat ook de bedoeling is). De data die daarbij geraadpleegd kunnen worden maken echter patiënten relatief eenvoudig traceerbaar. Dat is niet de bedoeling.

De data voor de phylogenetische boom worden ontleend aan GISAIID, waarin de sequenties ge-upload zijn. Het is niet de bedoeling dat de woonplaats, het OSIRISnummer en de naam van het ziekenhuis of lab van afname in GISAIID opgenomen worden.

Ik denk dat het voorbeeld van Duitsland als alternatief overgenomen kan worden, met aggregatie niveau provinciaal of landelijk.

Dit moet met spoed worden gecorrigeerd.

Zo nodig overleggen we natuurlijke even.

Beste groet,

(10)(2e)



**RIVM** Rijksinstituut voor Volksgezondheid en Milieu

Mr. drs. G.B. Haringhuizen | Coördinerend Adviseur / jurist publieke gezondheid  
 Centrum Infectieziektebestrijding | (T) +31 30 274 3307 | (M) +31 63 830 0892  
 Postbus 1, 3720 BA Bilthoven |